- 3. Показатели стволового акустического вызванного потенциала у пациентов с алкогольной зависимостью / И. Ю. Березина [и др.] // Вопр. наркологии. -2021. -№ 11 (206). C. 9-24. $doi: 10.47877/0234-0623_2021_11_9. <math>- edn: YKDZYL$.
- 4. Гресс, В. В. Обзор применения акустических вызванных потенциалов в современной клинической практике / В. В. Гресс // Политехн. молодеж. журн. -2019. -№ 7. С. 1-16. doi: 10.18698/2541-8009-2019-7-497. edn: IHSCDJ.
- 5. Begleiter, H. Auditory brainstem potentials in chronic alcoholics / H. Begleiter, B. Porjesz, C. L. Chou // Science. 1981. Vol. 211 (4486). P. 1064-1066. doi: 10.1126/science.7466379.
- 6. Chiappa K. H. Brainstem auditory evoked potentials in clinical neurology / K. H. Chiappa // Adv. Neurol. 1982. Vol. 32. P. 157-158.
- 7. Chiappa, K. H. Evoked potentials and clinical medicine (first of two parts) / K. H. Chiappa, A. H. Ropper // N. Engl. J. Med. 1982. Vol. 306, № 19. P. 1140-1150. doi: 10.1056/NEJM198205133061904.
- 8. Chu, N. S. Auditory brainstem response study of alcoholic patients / N. S. Chu, K. C. Squires // Pharmacol. Biochem. Behav. 1980. Vol. 13, suppl. 1. P. 241-244. doi: 10.1016/s0091-3057(80)80036-0.
- 9. Klemm, B. Acoustically evoked brain stem potentials in acute alcoholic intoxication / B. Klemm, W. Haas // Psychiatr. Neurol. Med. Psychol. (Leipz). $-1990.-Vol.\ 42,\ N\ 2.-P.\ 102-106.$
- Cumulative lifelong 10. Smith, E. S. alcohol alters auditory brainstem potentials / E. S. Smith, H. Riechelmann // Alcohol. Clin. Vol. 28, № 2004. 3. P. 508-515. doi: Exp. 10.1097/01.alc.0000117870.11317.92.

ДИАГНОСТИЧЕСКИЙ АЛГОРИТМ РАССТРОЙСТВ АУТИСТИЧЕСКОГО СПЕКТРА, АССОЦИИРОВАННЫХ С ПОЛИМОРФИЗМОМ ГЕНОВ ФОЛАТНОГО ЦИКЛА

Бизюкевич С.В.

УО «Гродненский государственный медицинский университет», Гродно, Беларусь

Актуальность. По данным главного внештатного детского психиатра Министерства здравоохранения Республики Беларусь Литвиновой О.С. (2023), за 2022 год в Республике Беларусь отмечается не только рост заболеваемости расстройств аутистического спектра (РАС) среди детского населения, но и количество детей инвалидов по причине расстройств в спектре аутизма: в структуре общей заболеваемости в Республике Беларусь РАС составили 5,2%, а в структуре первичной инвалидности – 6,73% на 10 тыс. детского населения,

что нередко может быть обусловлено достаточно поздним возрастом выявления данных расстройств развития [1, 2].

В Республике Беларусь диагностика расстройств аутистического спектра вызывает значительные сложности и приводит к частым диагностическим ошибкам, вплоть до гипердиагностики. Трудности диагностики РАС в раннем возрасте обусловлены возрастным уровнем психологического развития детей и связанными с этим ограниченными возможностями клиникопсихопатологического обследования.

В соответствии с новыми изменениями в Закон Республики Беларусь «О здравоохранении» от 25 октября 2023 г. № 308-3 статьи 18 об осуществлении «мероприятий по раннему вмешательству» [3] с целью ранней диагностики РАС, была определена актуальность цели разработки алгоритма для диагностики аутистических расстройств.

Цель. разработать, на основании выявления факторов риска развития РАС (пре-, перинатальных, генетических), алгоритм для диагностики расстройств аутистического спектра.

Методы исследования. исследование выполнено с участием 102 человек, проходивших стационарное обследование и лечение в детском отделении УЗ «ГОКЦ «Психиатрия-наркология»» за период с сентября 2017 по июнь 2020 г. Из них мальчики составили — 84% (86 человек), девочки — 16% (16 человек). Средний возраст мальчиков составил $5,4\pm1,84$ года, девочек — $5,0\pm1,86$ лет. В исследование были включены дети обоего пола (с письменного согласия законных представителей ребёнка) с наличием признаков РАС, с умственным возрастом развития ребёнка не менее 12 месяцев. Все дети и родители детей — русскоговорящие, у детей отсутствовали сенсорные и моторные нарушения, элективный мутизм (F94.0) [4]. Контрольную группу составили 85 психически здоровых ребёнка, не имеющих симптомов психических расстройств [5,6].

Психодиагностический метод использовался с целью верификации диагноза PAC с помощью «Плана диагностического обследования при аутизме, ADOS-2» [4].

Для анализа перинатальных факторов риска развития PAC была разработана карта обследования, включающая: анамнестические сведения ребенка, особенности течения беременности и родов у матери (угроза прерывания, фетоплацентарная недостаточность $(\Phi\Pi H)$, преэклампсия, перенесенные инфекции, применение родостимуляции, длительность безводного периода, наличие гипоксии плода, обвитие пуповиной). Учитывался родоразрешения и применения анестезии в родах. неблагоприятные факторы, выявленные в ранний неонатальный период развития детей (наличие пороков развития, инфекции, травмы). Оценивался характер и длительность грудного вскармливания [5].

Для определения полиморфных вариантов C677T, A1298C, A66G, A2756G генов фолатного цикла MTHFR, MTRR, MTR осуществлялся забор венозной крови у детей обеих групп в количестве 2 мл в стандартную стерильную

вакуумную одноразовую пробирку с голубой крышкой, содержащую 3,2% цитрата натрия [6].

Статистическая обработка полученных результатов проведена использованием пакета прикладных программ **«STATISTICA** 10.0» AXAR207F394425FA-Q). Различие сравниваемых $(N_{\underline{0}}$ величин считали статистически значимым при р < 0,05.

Результаты и их обсуждение. В основную группу вошли 86 (84%) мальчиков и 16 (16%) девочек. Средний возраст мальчиков составил 5,0 [4,0-7,0] лет, девочек – 4,5 [4,0-7,0]. В контрольной группе было 48 мальчиков (56%) и 37 (44%) девочек. Средний возраст мальчиков 6,0 [4,0-7,5] лет, девочек – 5,0 [3,0-7,0] лет. По возрасту группы детей статистически не различались как среди мальчиков, так и среди девочек (p>0,05).

В ходе нашего исследования в результате вычисления отношений шансов были определены факторы, ассоциированные с риском развития PAC — перинатальные: угроза прерывания беременности (p<0,05), фетоплацентарная недостаточность (p<0,05), преэклампсия (p<0,05), «гипоксия» (p<0,05), постнатальные — искусственное вскармливание (p<0,05), а также генетические — полиморфизмы A66G, C677T генов фолатного цикла: MTRR, MTHFR (p<0,05).

Для определения комбинации факторов, ассоциированной с высоким уровнем риска развития РАС, был выполнен регрессионный анализ полученных факторов риска развития РАС, которые были включены в модель логистической бинарной регрессии.

Путем перебора лучшей комбинации факторов с наивысшим предсказательным потенциалом статистически значимыми в данной модели оказались следующие факторы: генетические — генотипы A/G; G/G полиморфизма A66G гена MTRR и гомозиготный генотип T/T полиморфизма C677T гена MTHFR, пери- и постнатальные — угроза прерывания беременности, «гипоксия» [7, 8].

Оценки коэффициентов окончательной регрессионной модели приведены в таблице 1.

Таблица 1 – Оценки коэффициентов окончательной регрессионной модели

| Коэффициент | Оценка | Станд. отклонение | Z-значение | P |
|--------------------------------|---------|----------------------|------------|---------|
| (Intercept) | -2,4397 | 0,4836 | -5,0452 | <0,0001 |
| Угроза прерывания беременности | 1,7201 | 0,4799 | 3,5847 | <0,0001 |
| «Гипоксия» | 2,5422 | 0,422 | 6,0244 | <0,0001 |
| A/G A66G MTRR | 0,8819 | 0,446 | 1,9773 | 0,048 |
| G/G A66G MTRR | 2,3733 | 0,583 | 4,0706 | <0,0001 |
| C/T C677T MTHFR | 0,2174 | 0,4063 | 0,5351 | 0,593 |
| TT C677T MTHFR | 1,3465 | 0,6187 | 2,1763 | 0,03 |

Как видно из таблицы 1, оценки коэффициентов предикторов статистически значимы (при пороговом значении p=0,05, хотя бы для одной градации фактора) [8].

На основании выявленных факторов риска развития РАС был разработан расстройств диагностический алгоритм аутистического спектра, ассоциированных полиморфизмом генов фолатного цикла, который определяет биологическую предрасположенность PAC. развитию Диагностический алгоритм включает в себя пошаговые действия для врачаспециалиста, при обращении к нему родителей или законных представителей ребенка с жалобами на наличие у него особенностей в психоречевом развитии.

Также при установлении факта протекания перинатального периода с осложнениями в виде угрозы прерывания беременности у матери и наличием «гипоксии» у ребенка необходимо информировать родителя или законного представителя о следующих этапах диагностики расстройств аутистического провести молекулярно-генетическое спектра ИХ согласии при Этап молекулярно-генетического психодиагностическое исследование. анализа, направлен генотипирование полиморфизмов А66G и С677Т в генах MTRR и MTHFR. По результатам анализа реакции амплификации, при выявлении у ребенка с особенностями в психоречевом развитии и симптомами, позволяющими предполагать наличие расстройств в спектре аутизма генотипа A/G; G/G полиморфизма A66G гена MTRR и (или) генотипа Т/Т полиморфизма С677Т гена MTHFR, что свидетельствует о высоком риске развития РАС, обследование ребенок направляется на y психолога организаций здравоохранения, оказывающих специализированную психиатрическую с помощью «Плана помощь населению, диагностического обследования при аутизме ADOS-2» [6, 9].

Представленный алгоритм имеет непосредственное практическое значение так как в нем в нем определен оптимальный вариант действий врача-специалиста при выявлении особенностей в психическом развитии ребенка с целью раннего вмешательства и диагностики расстройств аутистического спектра. Данный диагностический алгоритм разработан с целью применения в клинической практике учреждениях В здравоохранения Республики Беларусь, а также для использования в научных клинических исследованиях и предназначен для применения врачами-психиатраминаркологами, врачами-психотерапевтами, врачами-педиатрами в стационарных и амбулаторных отделениях учреждений здравоохранения для диагностики аутистических расстройств.

Ранняя диагностика расстройств в спектре аутизма позволить выбрать оптимальную тактику по индивидуальному сопровождению таких детей и снизить степень выраженности аутистических признаков за счет более раннего начала медико-коррекционного сопровождения, тем самым повысить качество жизни и социальную адаптацию детей с расстройствами аутистического спектра.

ЛИТЕРАТУРА

- 1. Barriers to early identification of autism in Brazil / S. H. Ribeiro [et al.] // Braz. J. Psychiatry. 2017. Vol. 39, iss. 4. P. 352-354. doi: 10.1590/1516-4446-2016-2141.
- 2. Инвалидность вследствие расстройств аутистического спектра у населения Орловской области в динамике за 2015-2019 гг. / Л. Н. Агошкова [и др.] // Мед.-соц. проблемы инвалидности. 2021. № 1. С. 110-119.
- 3. Об изменении законов по вопросам здравоохранения и оказания психологической помощи [Электронный ресурс] : Закон Респ. Беларусь, 11 дек. 2020 г., № 94-3 // Национальный правовой Интернет-портал Республики Беларусь. Режим доступа: https://pravo.by/upload/docs/op/H12000094 _1611262800.pdf. Дата доступа: 13.04.2024.
- 4. Раттер, М. ADI-R. Интервью для диагностики аутизма: руководство / М. Раттер, Э. Л. Куто, К. Лорд; [русскоязыч. версию подгот.: А. Сорокин и др.]. [Б. м.]: Western psychol. Serv.: Giunti O. S., 2014. 122 с.
- 5. Бизюкевич, С. В. Перинатальные факторы риска развития расстройств аутистического спектра у детей и их взаимосвязь с полиморфизмом генов фолатного цикла / С. В. Бизюкевич // Педиатрия. Вост. Европа. 2021. Т. 9, N = 3. С. 369-381. doi: 10.34883/PI.2021.9.3.005. edn: GTWCG.
- 6. Бизюкевич, С. В. Полиморфизм генов фолатного цикла и степень тяжести расстройств аутистического спектра / С. В. Бизюкевич // Психиатрия, психотерапия и клинич. психология. -2020. Т. 11, № 3. С. 479-488. doi: 10.34883/PI.2020.11.3.005. edn: YXPCKI.
- 7. Бизюкевич, С. В. Диагностические возможности «плана диагностического обследования при аутизме» (ADOS-2) / С. В. Бизюкевич // Психиатрия, психотерапия и клинич. психология. 2021. Т. 12, № 3. С. 432-442. doi: 10.34883/PI.2021.12.3.006. edn: ZXAHEH.
- 8. Бизюкевич, С. В. Генетические и перинатальные факторы риска расстройств аутистического спектра / С. В. Бизюкевич // Журн. Гродн. гос. мед. ун-та. -2021. Т. 19, № 3. С. 306-310. doi: 10.25298/2221-8785-2021-19-3-306-310. <math>- edn: HSYKJG.
- 9. Алгоритм диагностики расстройств аутистического спектра у детей раннего возраста : инструкция по применению № 072-0621 : утв. М-вом здравоохранения Респ. Беларусь 22.07.2021 / Учреждение-разработчик УО «ГрГМУ» ; авт.: В. А. Карпюк, С. В. Бизюкевич. Гродно, 2021. 7 с.