

ЛИТЕРАТУРА

1. Лелевич, В.В. Алкоголь и мозг (метаболические аспекты) / В.В. Лелевич, С.В. Лелевич, А.Г. Виноцкая, - Гродно : ГрГМУ, 2019. - 252 с.
2. Виноцкая, А.Г. Сравнительная характеристика обмена g-аминомасляной кислоты (ГАМК) в головном мозге и печени при синдроме отмены этанола / А.Г. Виноцкая, [и соавт.]// Весці НАН Беларусі. Серыя мед. навук.- 2009. - № 3. - С. 27-30.
3. Johnson, B.A. An overview of the development of medications including novel anticonvulsants for the treatment of alcohol dependence / B.A. Johnson // Expert Opin. Pharmacother. – 2004. – Vol. 5, N 9. – P. 1943-1955.

РОЛЬ ЭНТЕРОКОККОВ В РАЗВИТИИ ВТОРИЧНЫХ БАКТЕРИАЛЬНЫХ ИНФЕКЦИЙ НА ФОНЕ COVID-19

Волосач О. С.¹, Козловский Д. В.²

¹Гродненский государственный медицинский университет, Гродно, Беларусь

²Гродненская областная инфекционная клиническая больница, Гродно, Беларусь

Актуальность. Энтерококки все чаще стали являться причиной нозокомиальных инфекций, в том числе нередко вызывают вторичные бактериальные инфекции на фоне COVID-19 и во многих случаях характеризуются антибактериальной резистентностью [1]. Все это диктует необходимость микробиологического мониторинга данных возбудителей при COVID-19 инфекции.

Цель. Анализ этиологической роли энтерококков в развитии вторичной бактериальной инфекции у пациентов COVID-19, проходивших лечение в стационарах г.Гродно.

Методы исследования. Объектом исследования явились бактериальные патогены, выделенные при вторичных бактериальных инфекциях различных локализаций из биологического материала взрослых пациентов с инфекцией COVID-19, проходивших лечение в стационарах г. Гродно с апреля 2020 года по июнь 2022. Материал забирался в зависимости от топического диагноза вторичной бактериальной инфекции (моча, отделяемое дыхательных путей, кровь и др.). Микробиологический мониторинг микроорганизмов, выделенных из биологического материала пациентов с COVID-19 инфекцией, осуществлялся по классическим микробиологическим методикам [2].

Результаты и их обсуждение. В период с апреля 2020 по июнь 2022 г.г. из биологического материала пациентов с диагнозом COVID-19, осложненной вторичной бактериальной инфекцией различных локализаций было выделено 2239 штаммов условно-патогенных микроорганизмов. Среди выделенных возбудителей 1121 культур были представителями грамотрицательной флоры и 1118 культур грамположительных микроорганизмов. Количество представителей

грамположительных и грамотрицательных возбудителей достоверно не отличалось ($p > 0,05$). *Enterococcus* spp. было идентифицировано 160 клинических изолята. Удельный вес энтерококков в общем количестве выделенных возбудителей был невелик и составил 7,1%, среди грамположительных возбудителей на долю энтерококков пришлось 14,3%.

Выводы. В результате проведенного микробиологического мониторинга установлено, что в этиологической структуре всех возбудителей вторичных бактериальных инфекций удельный вес энтерококков составил 7,1%. Среди грамположительных микроорганизмов в 14,3% случаев возбудителями вторичных бактериальных инфекций у пациентов COVID-19 явились энтерококки.

ЛИТЕРАТУРА

1. Афанасова, Е. Н. Энтерококки: современное значение для медицинской практики / Е. Н. Афанасова, Е. Н. Бочанова, О. В. Гордина [и др.] // Современные проблемы науки и образования. – 2022. – № 2. – С. 144-154.

2. Микробиологические методы исследования биологического материала : инструкция по применению № 075-0210 : утв. Главным государственным санитарным врачом РБ 19.03.2010 г. – Минск, 2010. – 123 с.

СТРУКТУРА БИОЛОГИЧЕСКОГО МАТЕРИАЛА, ИЗ КОТОРОГО БЫЛИ ВЫДЕЛЕННЫ ЭНТЕРОКОККИ У ПАЦИЕНТОВ С ИНФЕКЦИЕЙ COVID-19

Волосач О. С.¹, Кузьмич И. А.²

¹Гродненский государственный медицинский университет, Гродно, Беларусь

²Гродненская областная инфекционная клиническая больница, Гродно, Беларусь

Актуальность. В развитии вторичных бактериальных инфекций у пациентов с инфекцией COVID-19 значимая роль принадлежит энтерококкам. *Enterococcus* spp. нередко вызывают инфекции мочевыводящих путей [2]. Однако они способны вызвать воспалительные заболевания различных локализаций. Энтерококки включены в группу бактерий ESCAPE, которые чаще всего демонстрируют устойчивость к антибиотикам, длительно сохраняют жизнеспособность на объектах внешней среды [1], что диктует необходимость микробиологического мониторинга за данными возбудителями.

Цель. Определить структуру биологического материала, из которого были выделены *Enterococcus* spp. у пациентов с инфекцией COVID-19 стационаров г. Гродно.

Методы исследования. Объектом исследования явились взрослые пациенты с инфекцией COVID-19, проходившие лечение в стационарах г. Гродно с апреля 2020 г. по июнь 2022 г., из биологического материала которых были выделены *Enterococcus* spp. Микробиологический мониторинг выделенных микроорганизмов, осуществлялся по классическим микробиологическим методикам [3].