

МЕДИКО-СОЦИАЛЬНЫЕ ХАРАКТЕРИСТИКИ ПАЦИЕНТОВ С ТУБЕРКУЛЕЗОМ И COVID-19 В СМОЛЕНСКОЙ ОБЛАСТИ

Борисевич А. А., Зырев К. К., Мякишева Т. В., Гуденков М. А.
ФГБОУ ВО «Смоленский государственный медицинский университет»,
Смоленск, Россия

Актуальность. В условиях пандемии новой коронавирусной инфекции COVID-19 проблема распространения туберкулеза остается актуальной. По данным Минздрава РФ, охват населения профосмотрами в стране снизился, а смертность от туберкулеза может повыситься (по предварительным расчетам до 1,5 млн человек в год).

Цель исследования – представить медико-социальные характеристики пациентов с туберкулезом и COVID-19 в Смоленской области за период 2020-2022 гг.

Материал и методы. Проанализированы: пол, возраст, место жительства, частота госпитализации, клинические проявления, осложнения, необходимость коррекции противотуберкулезной терапии и исходы у 42 пациентов, представленных двумя группами: группа 1 – 21 пациент с ко-инфекцией (туберкулез и COVID-19) и 21 – контрольная группа пациентов с туберкулезом. Проведен анализ 26 медицинских карт стационарного пациента (ф 003/у) и 16 медицинских карт амбулаторного пациента (ф 81/у). Статистическая обработка полученных данных осуществлялась с использованием программы R (version 3.2.2) путем расчета точного критерия Фишера, различия считались достоверными при $p < 0,05$.

Результаты. Среди пациентов в обеих группах преобладали мужчины. Средний возраст пациентов в группе 1 составил $47,57 \pm 2,92$ года, в группе 2 – $42,38 \pm 2,28$. В группе 1 пациентов с ко-инфекцией преобладали городские жители (57%), в группе 2 90% составили сельские

жители ($p=0,02$). Госпитализация пациентов из группы 1 понадобилась в 23% случаев, в группе 2 – в 58% ($p=0,02$). При оценке клинических данных пациентов двух групп достоверные различия установлены только по температуре, которая при поступлении у пациентов с COVID-19 варьировала от субфебрильной (71%) до фебрильной (28,5%), в контрольной группе преобладала нормальная (52%) и субфебрильная (42%) температура ($p=0,001$). Нормализация температуры в обеих группах происходила в течение месяца, клиническое улучшение достигалось за одинаковый промежуток времени у 85% пациентов. Частота осложнений в обеих группах была одинаковой, в основном проявлялась дыхательной недостаточностью 1-2 степени и анемией 1 степени. Терапия COVID-19 проводилась согласно клиническим рекомендациям. Коррекции химиотерапии туберкулеза в группе с COVID-19 не требовалось. Установлены 2 летальных исхода (9,5%) в группе 1 с ко-инфекцией, причем в 1 случае туберкулез выявлен посмертно. У остальных пациентов обеих групп наблюдалось клиническое выздоровление ($p=0,943$).

Выводы. Среди пациентов с туберкулезом и ко-инфекцией преобладали мужчины среднего возраста, коррекции химиотерапии туберкулеза не требовалось, различия в характере и частоте осложнений не установлено. В группе 2 преобладали городские жители, установлены более высокие показатели температуры тела, чаще возникала необходимость в госпитализации и в 9,5% случаев установлен летальный исход.

ХАРАКТЕРИСТИКА ГЕНЕТИЧЕСКИХ ВАРИАНТОВ SARS-COV-2 НА ОСНОВЕ АНАЛИЗА ЧАСТИЧНОГО СЕКВЕНИРОВАНИЯ S УЧАСТКА ГЕНОМА, ЦИРКУЛИРУЮЩИХ НА ТЕРРИТОРИИ РЕСПУБЛИКИ БЕЛАРУСЬ В 2021 г.

Булда К. Ю., Гасич Е. Л., Коско А. Д., Бунас А. С., Гудель А. С.

Республиканский научно-практический центр эпидемиологии и микробиологии,
Минск, Беларусь

Актуальность. Вирусы, включая возбудителя COVID-19, со временем претерпевают изменения. Результатом эволюции SARS-CoV-2 явилось появление вариантов – Альфа, Бета, Гамма, Дельта, Омикрон, обладающих более высокой трансмиссивностью, патогенностью и вызывающих различное по тяжести заболевание. В связи с этим одним из важных компонентов реагирования на течении пандемии COVID-19 является мониторинг генетических вариантов SARS-CoV-2.

Цель исследования – установить особенности распространения генетических вариантов SARS-CoV-2 в 2021 г. на территории Республики Беларусь на основе анализа частичного секвенирования S участка генома вируса.

Материал и методы. Исследуемая выборка составила 435 образцов назофарингеальных мазков с подтвержденным COVID-19 за период июнь-декабрь 2021 г. Географическое распределение образцов было следующим: